

INFORMAZIONI PERSONALI

Valentina Motta

📍 Piazza Ospedale Maggiore 3
20162 - Milano

☎ +39 02 6444 7470/8431

✉ valentina.motta@ospedaleniguarda.it

Sesso Femminile | Data di nascita 11/05/1983 | Nazionalità Italiana

POSIZIONE RICOPERTA
SETTORE DI COMPETENZA**Dirigente Biologo - S.C. Anatomia Patologica /S.S. Patologia Molecolare
Niguarda Cancer Center**

ESPERIENZA
PROFESSIONALE
Gennaio 2021 – OGGI

Incarico Dirigente Biologo Specializzato in Patologia Clinica a Tempo Determinato

ASST Grande Ospedale Metropolitano Niguarda
Piazza Ospedale Maggiore, 3 20162 - Milano

Allestimento, valutazione e refertazione di esami molecolari per la S.S. di Patologia Molecolare. **Estrazione di acidi nucleici** a partire da **tessuti fissati ed inclusi in paraffina (FFPE), sangue, plasma, colture, tessuto fresco e/o congelato. Macro/Microdissezione** di tessuti FFPE. **Allestimento di reazioni di PCR.** Analisi dello stato mutazionale del gene **EGFR** su **biopsia liquida e su materiale cito-istologico** nei pazienti con NSCLC in prima diagnosi e a progressione di malattia a terapia con inibitori tirosin-chinasici. Analisi di biomarcatori molecolari in ambito onco-ematologico, quali la valutazione dello stato mutazionale dei geni **KRAS, NRAS, BRAF, HER2, MET, EGFR, PIK3, ALK** coinvolti nello sviluppo e progressione del carcinoma Colorettaie, dello NSCLC, del Melanoma. Analisi dello stato mutazionale del gene **C-KIT** e **PDGFR- α** , coinvolti nello sviluppo dei tumori stromali gastrointestinali (GISTs), nelle mastocitosi e nelle leucemie mieloidi acute. Analisi dell'instabilità microsatellitare (**MSI**) tramite Analisi di Frammenti nel carcinoma colorettaie. Analisi dello stato mutazionale dei geni **IDH1** e **IDH2** nei tumori cerebrali.

Valutazione dello stato mutazionale dei geni **JAK2, MPL** e **CALR** nelle neoplasie mieloproliferative croniche e gene **SF3B1** nelle sindromi mielodisplastiche. Valutazione dello stato mutazionale del gene **ABL1** nella resistenza primaria e/o acquisita ai farmaci a bersaglio molecolare nella Leucemia Mieloide Cronica Ph+. Analisi quantitativa del trascritto di fusione **BCR-ABL1** in pazienti affetti da Leucemia Mieloide Cronica. Analisi quantitativa del trascritto di fusione **RUNX1-RUNX1T1** e **CBFb-MYH11** in pazienti affetti da Leucemia Mieloide Acuta Core Binding Factor (CBF).

Analisi dello stato mutazionale dei geni **FLT3, NPM1, IDH1, IDH2, CEBPA** e **RUNX1** in pazienti con Leucemia Mieloide Acuta (LAM). Analisi dello stato mutazionale del gene **TP53, SF3B1** e **NOTCH1** in pazienti con Leucemia linfatica cronica. Analisi dello stato mutazionale dei geni **MYD88** e **CXCR4** in pazienti con Linfoma Plasmocitico/Magroglobulinemia di Waldenstrom.

Analisi e valutazione qualitativa e quantitativa di **Chimerismo post trapianto allogenico** di midollo osseo.

Partecipazione, in qualità di esecutore dell'analisi molecolare, ai controlli di qualità internazionali **ESP EQA, IQNPath** scheme per il gene **KRAS, NRAS, BRAF** ed **EGFR** e nazionali **AIOM-SIAPEC-IAP** per il gene **KRAS, NRAS, EGFR** e **BRAF**.

POSIZIONE RICOPERTA
SETTORE DI COMPETENZA**Libera Professione - S.C. Anatomia Patologica /S.S. Patologia Molecolare
Niguarda Cancer Center**

ESPERIENZA
PROFESSIONALE
Aprile 2018 – Dicembre 2020

Biologo Libero Professionista Specialista in Patologia Clinica

ASST Grande Ospedale Metropolitano Niguarda
Piazza Ospedale Maggiore, 3 20162 - Milano

Allestimento, valutazione e refertazione di esami molecolari per la S.S. di Patologia Molecolare.

Estrazione di acidi nucleici a partire da tessuti fissati ed inclusi in paraffina (FFPE), sangue, plasma, colture, tessuto fresco e/o congelato. Macro/Microdissezione di tessuti FFPE. Allestimento di reazioni di PCR. Analisi dello stato mutazionale del gene **EGFR** su **biopsia liquida e su materiale cito-istologico** nei pazienti con NSCLC in prima diagnosi e a progressione di malattia a terapia con inibitori tirosin-chinasici. Analisi di biomarcatori molecolari in ambito onco-ematologico, quali la valutazione dello stato mutazionale dei geni **KRAS, NRAS, BRAF, HER2, MET, EGFR, PIK3, ALK** coinvolti nello sviluppo e progressione del carcinoma Colorettales, dello NSCLC, del Melanoma. Analisi dello stato mutazionale del gene **C-KIT** e **PDGFR- α** , coinvolti nello sviluppo dei tumori stromali gastrointestinali (GISTs), nelle mastocitosi e nelle leucemie mieloidi acute. Analisi dell'instabilità microsatellitare (**MSI**) tramite Analisi di Frammenti nel carcinoma colorettales. Analisi dello stato mutazionale dei geni **IDH1** e **IDH2** nei tumori cerebrali.

Valutazione dello stato mutazionale dei geni **JAK2, MPL** e **CALR** nelle neoplasie mieloproliferative croniche e gene **SF3B1** nelle sindromi mielodisplastiche. Valutazione dello stato mutazionale del gene **ABL1** nella resistenza primaria e/o acquisita ai farmaci a bersaglio molecolare nella Leucemia Mieloide Cronica Ph+. Analisi quantitativa del trascritto di fusione **BCR-ABL1** in pazienti affetti da Leucemia Mieloide Cronica. Analisi quantitativa del trascritto di fusione **RUNX1-RUNX1T1** e **CBFb-MYH11** in pazienti affetti da Leucemia Mieloide Acuta Core Binding Factor (CBF).

Analisi dello stato mutazionale dei geni **FLT3, NPM1, IDH1, IDH2, CEBPA** e **RUNX1** in pazienti con Leucemia Mieloide Acuta (LAM). Analisi dello stato mutazionale del gene **TP53, SF3B1** e **NOTCH1** in pazienti con Leucemia linfatica cronica. Analisi dello stato mutazionale dei geni **MYD88** e **CXCR4** in pazienti con Linfoma Plasmocitico/Magroglobulinemia di Waldenstrom.

Analisi e valutazione qualitativa e quantitativa di **Chimerismo post trapianto allogenico** di midollo osseo.

Partecipazione, in qualità di esecutore dell'analisi molecolare, ai controlli di qualità internazionali **ESP EQA, IQNPath** scheme per il gene **KRAS, NRAS, BRAF** ed **EGFR** e nazionali **AIOM-SIAPEC-IAP** per il gene **KRAS, NRAS, EGFR** e **BRAF**.

POSIZIONE RICOPERTA
SETTORE DI COMPETENZA

**Titolare di Borsa di Studio presso la S.C. Anatomia Patologica /S.S. Patologia Molecolare
Niguarda Cancer Center**

ESPERIENZA
PROFESSIONALE

Agosto 2010 – Febbraio 2018

Borsa di Studio - Biologo Specialista in Patologia Clinica

ASST Grande Ospedale Metropolitano Niguarda
Piazza Ospedale Maggiore, 3 20162 - Milano

Estrazione di acidi nucleici a partire da tessuti fissati ed inclusi in paraffina (FFPE), sangue, plasma, colture, tessuto fresco e/o congelato. Macro/Microdissezione di tessuti FFPE. Allestimento di reazioni di PCR. Analisi dello stato mutazionale del gene **EGFR** su **biopsia liquida e su materiale cito-istologico** nei pazienti con NSCLC in prima diagnosi e a progressione di malattia a terapia con inibitori tirosin-chinasici. Analisi di biomarcatori molecolari in ambito onco-ematologico, quali la valutazione dello stato mutazionale dei geni **KRAS, NRAS, BRAF, HER2, MET, EGFR, PIK3, ALK** coinvolti nello sviluppo e progressione del carcinoma Colorettales, dello NSCLC, del Melanoma. Analisi dello stato mutazionale del gene **C-KIT** e **PDGFR- α** , coinvolti nello sviluppo dei tumori stromali gastrointestinali (GISTs), nelle mastocitosi e nelle leucemie mieloidi acute. Analisi dell'instabilità microsatellitare (**MSI**) tramite Analisi di Frammenti nel carcinoma colorettales.

Valutazione dello stato mutazionale dei geni **JAK2, MPL** e **CALR** nelle neoplasie mieloproliferative croniche e gene **SF3B1** nelle sindromi mielodisplastiche. Valutazione dello stato mutazionale del gene **ABL1** nella resistenza primaria e/o acquisita ai farmaci a bersaglio molecolare nella Leucemia Mieloide Cronica Ph+. Analisi quantitativa del trascritto di fusione **BCR-ABL1** in pazienti affetti da Leucemia Mieloide Cronica. Analisi dello stato mutazionale dei geni **CEBPA** e **RUNX1** in pazienti con Leucemia Mieloide Acuta (LAM). Analisi dello stato mutazionale del gene **TP53** in pazienti con Leucemia linfatica cronica. Analisi e valutazione qualitativa e quantitativa di **Chimerismo post trapianto allogenico** di midollo osseo.

Partecipazione, in qualità di esecutore dell'analisi molecolare, ai controlli di qualità internazionali **ESP EQA** scheme per il gene **KRAS, NRAS, BRAF** ed **EGFR** e nazionali **AIOM-SIAPEC-IAP** per il gene **KRAS, NRAS, EGFR** e **BRAF**.

Valutazione dei profili di espressione genica per l'identificazione di nuovi marcatori clinici di rischio cardiovascolare nella donna mediante tecnologia **Low Density Array** (LDA, piattaforma

ABI PRISM 7900HT) di cellule mononucleate isolate da sangue venoso periferico, ottenute da una serie di donne colpite da infarto miocardico giovanile e da soggetti femminili sani comparabili per età ed origine geografica.

Indagine genetica nella stratificazione del rischio e nella diagnosi di Patologie Cardiovascolari (**Cardiomiopatia Iperτροφica, Iperτροφια cardiaca con cause ignote, Cardiomiopatia dilatativa, Malattia di Fabry, Amiloidosi familiare, Sindromi di Marfan e Loews-Dietz, Sindrome di Noonan, Metabolismo del Warfarin, Sindrome QT lungo, Sindrome di Romano-Ward, Sindrome di Brugada**).

Settembre 2009 - Marzo 2010

Tirocinante

Azienda Ospedaliera Ospedale Niguarda Ca' Granda - Anatomia Istologia Patologica e Citogenetica
Piazza Ospedale Maggiore, 3 20162 - Milano

Studio di standardizzazione per la valutazione di **EGFR** mediante metodica **FISH**, come analisi predittiva nella terapia del carcinoma coloretale metastatico con cetuximab o panitumumab; Valutazione dello stato mutazionale dei geni **KRAS** e **BRAF** tramite sequenziamento diretto.

Novembre 2006 - Luglio 2007

Tirocinante

Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Sicilia "A. Mirri"
Settore Biologia Molecolare
Via G. Marinuzzi 3, 90129 - Palermo

Ricerca epidemiologica di **Rotavirus** di **gruppo A** in campioni di origine bovina allevati in stalla.

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

21 Luglio 2016

Investigator Site Personnel ICH GCP Training Certificate

Titolo del corso: Good Clinical Practice training meeting "Minimum Criteria for ICH E6 GCP Investigator Site Personnel Training"

29 Giugno 2016

Diploma di Specializzazione in PATOLOGIA CLINICA

Università degli Studi di Pavia
Scuola di Specializzazione in Patologia Clinica
Via Ferrata 1, 27100 - Pavia

Titolo della tesi:

'La Biopsia Liquida come possibilità diagnostica e terapeutica per la valutazione dello stato mutazionale dei geni EGFR e KRAS nel Carcinoma Polmonare Non a Piccole Cellule'

Novembre 2010

Abilitazione ALL'ESERCIZIO DELLA PROFESSIONE DI BIOLOGO

Università degli Studi di Pavia
Via Ferrata 5, 27100 - Pavia
Tessera di iscrizione n°: **AA_076897**

Settembre 2007 - Marzo 2010

Laurea Specialistica in BIOLOGIA APPLICATA ALLA RICERCA BIOMEDICA

Università degli Studi di Milano,
 Facoltà di Scienze MM.FF.NN.
 Via Celoria 26, 20133 - Milano

Titolo della tesi:
“EGFR FISH come analisi predittiva nella terapia del carcinoma coloretale metastatico con Cetuximab o Panitumumab. Studio di Standardizzazione”

Ottobre 2001 - Novembre 2007

Laurea di I livello in SCIENZE BIOLOGICHE – indirizzo BIOSANITARIO

Università degli Studi di Palermo
 Facoltà di Scienze MM.FF.NN.
 Via Archirafi 18, 90123 - Palermo

Titolo della tesi:
“Determinazione di Rotavirus di gruppo A su campioni provenienti da bovini allevati in stalla”

COMPETENZE PERSONALI

Lingua madre Italiano

Altre lingue

	COMPRESIONE		PARLATO		PRODUZIONE SCRITTA
	Ascolto	Lettura	Interazione	Produzione orale	
Inglese	A1	A1	A1	A1	A1
Francese	C1	C1	B1	B1	C1

Livelli: A1/2 Livello base - B1/2 Livello intermedio - C1/2 Livello avanzato
 Quadro Comune Europeo di Riferimento delle Lingue

Competenze comunicative, organizzative e gestionali

Buona capacità di lavorare in gruppo maturata in molteplici situazioni in cui era necessaria la collaborazione tra più persone.
 Buona capacità di adeguamento ad ambienti multiculturali e buone capacità di comunicazione.
 Ferma determinazione alla conclusione dei progetti avviati.

Competenze professionali

Utilizzo di metodologie molecolari con risvolto prognostico/terapeutico nelle patologie oncologiche (in particolare per le neoplasie del colon-retto, del polmone, del melanoma e dei GIST) ed ematologiche.
 Comprovata esperienza ed autonomia nell'uso di protocolli molecolari per l'estrazioni di acidi nucleici provenienti da fluidi corporei, cellule, sangue, plasma, colture e campioni inclusi in paraffina.
 Comprovata esperienza e completa autonomia nell'uso di tecniche di diagnostica molecolare, quali **PCR, Real Time PCR qualitativa e quantitativa** (piattaforme **Real Time 7900HT, ViiA7**), **Gel Elettroforesi, Sequenziamento Diretto, High Resolution Melting Analysis, Discriminazione Allelica, Gene Copy Number Assays, Analisi di Frammenti, Droplet digital PCR (ddPCR)**.
 Utilizzo dei seguenti softwares di analisi delle sequenze: **SeqScape, Sequencing Analysis, GeneScan, GeneMapper, HRM Analysis** e dei principali softwares per il disegno di primers per PCR.
 Comprovata esperienza nella macro e microdissezione di materiale incluso in paraffina.
 Uso abituale di banche dati (**NCBI, Ensembl Genome Browser, Cosmic, IARC Database** ecc.).
 Ottimo utilizzo del pacchetto Office (Word, PowerPoint, Excel), del browser Internet Explorer e degli altri principali browsers

Competenze informatiche

Ottimo utilizzo del pacchetto Office (Word, PowerPoint, Excel), del browser Internet Explorer e degli altri principali browsers

Altre competenze

Nuoto

Patente di guida

B

ULTERIORI INFORMAZIONI

Pubblicazioni

- Silvia Soriani, Valentina Guido, Giambattista Bertani, Clara Cesana, **Valentina Motta**, Gabriella De Canal, Elena De Paoli, Silvio Veronese, Emanuela Bonoldi, Lorenza Romitti. BCR/ABL Fluorescence In Situ Hybridization fusion signals on both chromosome 22 in a Philadelphia-masked Chronic Myeloid Leukemia case: implication for the therapy. Hematology Reports. Accepted for publication in Press.
- Gisele Derezend, Laura Bandiera, Fabiane Barbosa, **Valentina Motta**, Marco Rabagliati, Emanuela Bonoldi. Odontogenic Fibroma Amyloid – Variant: A Typical Case and Brief considerations about Mimickers. Oral Surgery, Oral Medicine, Oral Pathology and Oral Radiology. Accepted for publication in Press.
- Elio G. Pizzutilo, Calogero Lauricella, Giulio Cerea, Laura G. Giannetta, Gianluca Tomasello, Stefano Stabile, **Valentina Motta**, Spyridon Alexiadis, Francesco Scaglione, Angelo Vanzulli, Massimo Torre, Emanuela Bonoldi, Silvio M. Veronese, Salvatore Siena, Andrea Sartore-Bianchi. Concurrent Small-Cell Transformation and Emergence of Trans-C797S and T790M Mutations Under Sequential Treatment with EGFR Inhibitors in Lung Adenocarcinoma. *JCO Precision Oncology*-published online December 3, 2019.
- Mauri G, Valtorta E, Cerea G, Amatu A, Schirru M, Marrapese G, Fiorillo V, Recchimuzzo P, Cavenago IS, Bonazzina EF, **Motta V**, Lauricella C, Veronese S, Tosi F, Maiolani M, Rospo G, Truini M, Bonoldi E, Christiansen J, Potts SJ, Siena S, Sartore-Bianchi A. TRKA expression and *NTRK1* gene copy number across solid tumors. *Journal of Clinical Pathology*. 2018 Oct;71(10):926-931.
- Forti E, Bonato G, Dioscoridi L, Cintolo M, Pugliese F, Cristoferi L, Tringali A, Caputo V, **Motta V**, Torre MD, Conforti S, Mutignani M. A Smooth Esophageal Stricture Causing Dysphagia. *Dysphagia*. 2018 Jun;33(3):399-402.
- Solassol J, Vendrell J, Märkl B, Haas C, Bellosillo B, Montagut C, Smith M, O'Sullivan B, D'Haene N, Le Mercier M, Grauslund M, Melchior LC, Burt E, Cotter F, Stieber F, Schmitt F de Lander, **Motta V**, Lauricella C, Colling R, Soilleux E, Fassan M, Mescoli C, Collin C, Pagès JC, Sillekens P. Multi-center evaluation of the fully automated PCR-based Idylla™ KRAS Mutation Assay for rapid KRAS mutation status determination on formalin-fixed paraffin-embedded tissue of human colorectal cancer. *Plos One*. 2016 Sep 29;11(9):e0163444.
- De Cesare M, Sfondrini L, Pennati M, De Marco C, **Motta V**, Tagliabue E, Deraco M, Balsari A, Zaffaroni N. CpG-oligodeoxynucleotides exert remarkable antitumor activity against diffuse malignant peritoneal mesothelioma orthotopic xenografts. *J Transl Med*. 2016 Jan 25;14:25.
- Siravegna G, Mussolin B, Buscarino M, Corti G, Cassingena A, Crisafulli G, Ponzetti A, Cremolini C, Amatu A, Lauricella C, Lamba S, Hobor S, Avallone A, Valtorta E, Rospo G, Medico E, **Motta V**, Antoniotti C, Tatangelo F, Bellosillo B, Veronese S, Budillon A, Montagut C, Racca P, Marsoni S, Falcone A, Corcoran RB, Di Nicolantonio F, Loupakis F, Siena S, Sartore-Bianchi A, Bardelli A. Clonal evolution and resistance to EGFR blockade in the blood of colorectal cancer patients. *Nat Med*. 2015 Jul;21(7):795-801.
- Marziliano N, Merlini PA, Vignati G, Orsini F, **Motta V**, Bandiera L, Intriery M, Veronese S. A Case of Compound Mutations in the MYBPC3 Gene Associated with Biventricular Hypertrophy and Neonatal Death. *Neonatology*. 2012;102(4):254-258.
- Ammirati E, Marziliano N, Vittori C, Pedrotti P, Bramerio MA, **Motta V**, Orsini F, Veronese S, Merlini PA, Martinelli L, Frigerio M. The first Caucasian patient with p.Val122Ile mutated-transthyretin cardiac amyloidosis treated with isolated heart transplantation. *Amyloid*. 2012 Jun;19(2):113-117.
- Marziliano N, Sapere N, Orsini F, **Motta V**, Veronese S, Gambacorta M, Merlini PA, Intriery M. A quantitative-PCR protocol rapidly detects aGAL deletions/duplications in patients with Anderson-Fabry disease. *Mol Genet Metab*. 2012 Apr;105(4):687-689.
- Marziliano N, Orsini F, Veronese S, Colosimo A, Lauricella C, **Motta V**, Gambacorta M, Mauri F, Ardissino D, Merlini PA. La genomica nella pratica clinica cardiologica: dalla risposta individuale alla terapia farmacologica alle malattie cardiovascolari ereditarie monogeniche. *G Ital Cardiol*. 2010 Oct;11(10):767-768.

Partecipazioni a Libri – Capitoli di Libri

- Marziliano Nicola, **Valentina Motta**, Francesco Orsini, Mariano Intriery, Erminia Giagnoni, Maria Francesca Notarangelo, Federico Bontardelli, Diego Ardissino, Piera Angelica Merlini. “Quello che tutti i cardiologi devono sapere sulle malattie rare: Il Contributo della Tipizzazione Genetica.” *Cardiologia* 2012, Fondazione Centro Cardiologia e Cardiochirurgia A. De Gasperis.
- Marziliano N, Orsini F, **Motta V**. “Il rischio cardiovascolare nello sportivo”. *La Voce del Cuore*, Anno 17, N°3 Dicembre 2012.
- Marziliano Nicola, Damiana Fiscella, **Valentina Motta**, Francesco Orsini, Piera Angelica Merlini, Alessandro Verde, Grazia Foti, Fabio M. Turazza, Alberto Roghi. “Clinica genetica ed imaging nelle cardiomiopatie” *Cardiologia* 2011, Fondazione Centro Cardiologia e Cardiochirurgia A. De Gasperis.
- Marziliano N, Orsini F, **Motta V** and Merlini P.A.: “Il ruolo del cardiologo clinico e dell’indagine genetica nella stratificazione del rischio e nella diagnosi”. *Manuale di terapia cardiovascolare*. Il Pensiero Scientifico Editore (Italian) 2010.

Presentazioni
Progetti
Conferenze
Seminari
Corsi

Autore/Coautore di diversi abstracts, posters e comunicazioni orali presentati a meetings nazionali e internazionali. Partecipazione a più di 40 eventi formativi e professionali in ambito nazionale ed internazionale

Dati personali

Autorizzo il trattamento dei dati personali raccolti, anche con strumenti informatici, nel rispetto degli obblighi di sicurezza e riservatezza di cui al Regolamento (UE) n. 679/2016 e del D.Lgs. n. 196 del 30 giugno 2003, per le disposizioni non incompatibili con il Regolamento medesimo.
Autorizzo, altresì, la pubblicazione del presente CV sia sul sito internet aziendale, nella sezione "Amministrazione Trasparente", sia nella sezione Anagrafe delle prestazioni del sito internet PerlaPa – Dipartimento della Funzione Pubblica.

Giussago, 25 Gennaio 2021

F.TO **Valentina Motta**

